

MATERIAL SUPLEMENTARIO

Disponible en el repositorio Figshare: <https://doi.org/10.6084/m9.figshare.c.5312738.v2>

Material suplementario 1. Números de acceso de los genomas utilizados en este estudio. La metadata fue obtenida de la base de datos GISAID. Los genomas fueron generados por el Instituto Nacional de Salud del Perú.

Material suplementario 2. Alineamiento múltiple de 113 secuencias de SARS-CoV-2 correspondientes a casos peruanos entre marzo y abril 2020.

Material suplementario 3. Archivo de salida del programa BEAST2 con información de los parámetros calculados utilizando aproximación bayesiana.

Material suplementario 4. Valores de R_t estimados para cada día (aproximado) de marzo y abril 2020. Los menores valores se encuentran entre los días 19 y 25 de marzo, poco tiempo después del inicio de la cuarentena. HPD: Intervalo de mayor densidad de probabilidad.

Material suplementario 5. Archivo de entrada del programa BEAST2 con la información requerida para que el programa calcule los parámetros deseados utilizando una aproximación bayesiana (MCMC)